

LEG

1  
0  
7

5  
10  
15  
20  
25  
30  
35

SITE

6  
5  
6

40  
45  
50  
55  
60  
65  
70  
75

HOLE

A

85  
90  
95  
100  
105

CORE

3R

110  
115  
120  
125  
130  
135  
140  
145  
150

