

LEG

1

1

5

5  
10  
15  
20  
25  
30  
35

SITE

7

1

3

40  
45  
50  
55  
60  
65  
70  
75  
80

HOLE

A

85  
90  
95  
100

CORE

1 R

105  
110  
115  
120  
125  
130  
135  
140  
145  
150

