

LEG

1  
2  
0

5  
10  
15  
20  
25  
30  
35  
40

SITE

7  
5  
0

45  
50  
55  
60  
65  
70  
75  
80

HOLE

A

85  
90  
95  
100  
105

CORE

2  
5  
R

110  
115  
120  
125  
130  
135  
140  
145  
150

