

LEG

1

5

8

SITE

9

5

7

HOLE

E

CORE

1

2

R

5  
10  
15  
20  
25  
30  
35  
40  
45  
50  
55  
60  
65  
70  
75  
80  
85  
90  
95  
100  
105  
110  
115  
120  
125  
130  
135  
140

1

S

M

P

T

Y

Y