

LEG

1

6

6

SITE

1

0

0

3

HOLE

B

CORE

5

7

X

5

10

15

20

25

30

35

40

45

50

55

60

65

70

75

80

85

90

95

100

105

110

115

120

125

130

135

140

145

150

1

2

AMS

AMS