

LEG

1
6
9

SITE

1
0
3
5

HOLE

H

CORE

2
7
R

5
10
15
20
25
30
35
40
45
50
55
60
65
70
75
80
85
90
95
100
105
110
115
120
125
130
135
140
145
150



E
M
D
L
S