

LEG

1  
8  
0

5  
10  
15  
20  
25  
30



SITE

1  
1  
1  
2

35  
40  
45  
50  
55  
60  
65  
70  
75



HOLE

A

80  
85  
90  
95  
100

CORE

2  
R

105  
110  
115  
120  
125  
130