

847.4-857.0 mbsf

1

2

3

LEG

1
9
7

SITE

1
2
0
3

HOLE

A

CORE

6
2
R

5
10
15
20
25
30
35
40
45
50
55
60
65
70
75
80
85
90
95
100
105
110
115
120
125
130
135
140
145
150



TM

M
T