

278.1-285.1 mbsf

1

2

3

4

LEG

2
0
6

SITE

1
2
5
6



HOLE

D

CORE

3
R

5
10
15
20
25
30
35
40
45
50
55
60
65
70
75
80
85
90
95
100
105
110
115
120
125
130
135
140
145
150



MTa

MT

MT

MT